

## بررسی صفات بیوشیمیایی و شیمیایی ژنتیپ‌های مختلف برنج تحت تنش شوری

احمد مجیدی‌مهر<sup>۱</sup>، رضا امیری‌فهله‌یانی<sup>۲\*</sup>، اسد معصومی‌اصل<sup>۲</sup>

۱- به ترتیب دانشجوی کارشناسی ارشد اصلاح نباتات و استادیاران گروه زراعت و اصلاح نباتات دانشکده کشاورزی  
دانشگاه یاسوج

(تاریخ دریافت: ۱۰/۱/۱۳۹۲ - تاریخ پذیرش: ۱/۲۵/۱۳۹۳)

### چکیده

شوری یکی از مهم‌ترین موانع کشاورزی است که تولید محصولات زراعی را کاهش می‌دهد. جهت بررسی تأثیر شوری بر برخی خصوصیات بیوشیمیایی و شیمیایی گیاه برنج، آزمایشی به صورت کرت‌های خرد شده در قالب طرح بلوك‌های کامل تصادفی با ۳ تکرار در دانشکده کشاورزی دانشگاه یاسوج در سال ۱۳۹۱ اجرا شد. فاکتور اصلی ۴ سطح شوری (۰، ۴۴، ۸۸ و ۱۳۲ میلی‌مولار NaCl) و فاکتور فرعی ۱۱ ژنتیپ برنج بودند. میزان کلروفیل، قندهای محلول، پرولین و پروتئین محلول برگ، سدیم برگ و ریشه، پتاسیم برگ و ریشه، نسبت سدیم به پتاسیم برگ و ریشه اندازه‌گیری و مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفتند. ژنتیپ‌ها از نظر تمامی صفات به جز نسبت سدیم به پتاسیم برگ دارای اختلاف معنی‌داری در سطوح ۱ و ۵ درصد بودند. همبستگی مثبت و معنی‌داری بین پرولین و قندهای محلول برگ در شرایط تنش مشاهده شد. تجزیه به عامل‌ها بر اساس تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و چرخش وریماکس در شرایط بدون تنش ۵ و در شرایط تنش (متوسط تنش‌ها) ۴ عامل به ترتیب ۷۹/۷۹ و ۶۸/۱۰ درصد تغییرات را تبیین کردند. ژنتیپ‌های مورد نظر با استفاده از تجزیه خوش‌های و روش وارد در هر دو شرایط عدم تنش و تنش، ۳ گروه را تشکیل دادند. نتایج حاصل از تجزیه ضرایب عاملی، نشانگر اهمیت مؤلفه تحمل به تنش شامل صفات پرولین و پروتئین برگ در گزینش ژنتیپ‌های مطلوب برای شرایط تنش شوری بود. با توجه به نتایج حاصله، می‌توان از تلاقی ژنتیپ‌های خوش اول با خوش سوم به علت حداقل اختلاف، جهت بهره‌وری از هتروزیس و ایجاد تنوع ژنتیکی استفاده نمود.

**واژه‌های کلیدی:** آبکشت، پتاسیم برگ، پرولین، چرخش وریماکس، همبستگی، *Oryza sativa*

## مقدمه

برنج دومین غله جهان است که غذای اصلی بیش از نیمی از مردم جهان به ویژه کشورهای در حال توسعه را تشکیل می‌دهد. برنج، گیاه زراعی مناطق گرمسیری و معتدل و مرطوب بوده و بین عرض‌های جغرافیایی ۵۳ درجه شمالی تا ۴۰ درجه جنوبی کشت می‌شود (Kazemiarbt and Dahi, 1996). کشت برنج در ایران گایگاه ویژه‌ای دارد، ولی اخیراً بروز کم آبی، کشت این گیاه را در ایران و جهان در معرض خطر قرار داده است. با وقوع کم آبی نه تنها حجم آب، کم می‌شود بلکه کیفیت آن نیز تغییر یافته و شورتر می‌شود (DuNing, 2007).

شوری خاک به دلیل ایجاد سمیت و جلوگیری از جذب آب و عناصر غذایی و برهم زدن تعادل آن‌ها، یکی از مهم‌ترین محدودیت‌های رشد گیاهان زراعی و یکی از مشکلات بزرگ کشت‌های آبی محسوب می‌شود (Akbar et al., 1986). گرچه شوری مشکل جدی تولید محصول در استان‌های گیلان و مازندران که بیش از ۸۰ درصد شالیزارهای کشور در آن‌ها قرار دارد نیست، ولی مشکل آینده در این استان‌ها به ویژه در زمین‌های نزدیک دریای خزر و نیز مشکل فعلی در شالیزارهای جنوب کشور به ویژه در استان خوزستان است (Fotokian, 2005). به طور کلی از مجموع ۱۶۵ میلیون هکتار اراضی ایران مساحتی حدود ۴۴/۵ (Valipouret et al., 2008) تا ۵۵/۶ میلیون هکتار (Moumeni, 2011) به نحوی متاثر از شوری بوده از ۶/۸ میلیون هکتار اراضی کشاورزی کشور به نوعی مبتلا به درجاتی از شوری هستند که اکثر آن‌ها در فلات مرکزی و دشت‌های ساحلی جنوب و دشت‌های خوزستان قرار دارند. حدود ۴/۳ میلیون هکتار از اراضی کشاورزی بجز شوری محدودیت دیگری ندارند (Moumeni, 2011).

به طور کلی، شوری فرآیندهای متابولیکی و فعالیت آنزیم‌ها را تغییر می‌دهد. یکی از تغییرات بیوشیمیایی که با قرار گرفتن گیاه در محیط شوری رخ می‌دهد، افزایش تولید رادیکال‌های آزاد اکسیژن (ROS) می‌باشد (Wang et al., 2003). رادیکال‌های آزاد اکسیژن در غلظت‌های بالا موجب تخریب مولکول‌های حیاتی سلول مانند DNA، پروتئین و غشای لپیدی می‌شوند (Casanoet al., 1994). ولی در غلظت‌های پایین‌تر، نقش مهمی در تنظیم فرآیندهای مهم سلولی به ویژه در کنترل بیان ژن‌ها ایفا می‌نمایند. محتوی کلروفیل برگ یک فاکتور مهم

در تعیین ظرفیت فتوسنتری برگ است (Jiang and Kumar et al., 2001). کومار و همکاران (Huang, 2007) با مطالعه عکس العمل ارقام برنج ایندیکا نشان دادند که در تنش شوری، درصد جوانه‌زنی، رشد گیاه و مقدار رنگیزه کلروفیل کاهش پیدا می‌کند، در حالی که سطوح پرولین و پراکسید چربی‌ها افزایش می‌باید. آن‌ها اختلاف معنی‌داری را بین ارقام ایندیکا برای صفات مذکور مشاهده نمودند. گزارش کومار و همکاران (Kumar et al., 2007) نشان داد که تحمل به شوری در رقم پنول-3 (Panvel-3) گیاه برنج به سطوح بالای پرولین و پراکسیداسیون چربی‌ها ارتباط دارد. میقانی و ابراهیم‌زاده (Mighaniand Ebrahimzadeh, 2004) گزارش کردند که سنتر پروتئین‌ها در پاسخ به تنش‌های محیطی نظری شوک گرمایی، تنش سرما، تنش خشکی و شوری تغییر می‌نماید. چنین تنش‌هایی سبب افزایش سنتر برخی از پروتئین‌ها و کاهش سنتر عده‌ای دیگر از آن‌ها می‌شود. این پژوهشگران معتقدند اثر اصلی شوری کاهش سنتر پروتئین است و اثرات منفی شوری شامل تخریب سازوکار رونویسی و ترجمه می‌باشد.

سازوکار فیزیولوژیکی مختلفی در تحمل به شوری در گیاهان نقش دارد. هی و یو (He and Yu, 1995) گزارش کردند که جهش‌یافته‌های متحمل به شوری در برنج در مقایسه با ژنتوتیپ‌های حساس به شوری از قند-های محلول و پرولین آزاد بیشتری برخوردار هستند. گزارش‌های مختلف، حاکی از آن است که گیاهان متحمل به شوری دارای تجمع کمتر سدیم و تجمع بیشتر پتاسیم، نسبت پتاسیم به سدیم و مقدار پرولین‌در بافت‌ها می‌باشند (Flowers et al., 1977; Rathert, 1983). یون پتاسیم یکی از عناصر پرصرف می‌باشد که برای حفظ غشاء و وظایف آن لازم است و غلظت‌های تا حد ۱۳۰ میلی‌مول برای فعالیت‌های آنزیمی ضروری است (Jeschke, 1984). وین و همکاران (Wynet et al., 1984) بیان داشتند که نسبت بالای سطوح پتاسیم به سدیم در بافت‌ها می‌تواند به عنوان یک معیار مناسب در بسیاری از گلکیووفیت‌ها استفاده شود. یون سدیم موجب کاهش جذب یون پتاسیم و کاهش رشد عملکرد گیاهان می‌شود. با اینکه غلظت سدیم در برگ ممکن است برای حفظ تورزی‌سانس مفید باشد، ولی سدیم نمی‌تواند جانشین مناسبی برای پتاسیم محسوب شود، زیرا پتاسیم به طور اختصاصی برای سنتر

اهمیت نسبی صفات مورد بررسی در ارتباط با عملکرد، گروه‌بندی ژنوتیپ‌های مورد بررسی از نظر ویژگی‌های مطالعه شده با استفاده از روش تجزیه خوشهای و شناسایی ژنوتیپ‌های مقاوم به شوری به منظور استفاده از نتایج حاصله در برنامه‌های بهنژادی آینده برای بالا بردن میزان عملکرد در واحد سطح در شرایط شوری بود.

### مواد و روش‌ها

این آزمایش در سال زراعی ۱۳۹۱ در شرایط کنترل شده و به صورت آب‌کشت، در دانشکده کشاورزی دانشگاه یاسوج به صورت طرح اسپلیت پلات در قالب طرح پایه بلوک‌های کامل تصادفی در ۳ تکرار انجام شد. فاکتور اصلی شامل تنش شوری با ۴ سطح (۰، ۴۴، ۸۸ و ۱۳۲ میلی‌مولار NaCl) و فاکتور فرعی شامل ۱۱ ژنوتیپ برنج (جدول ۱) بود. بذرها قبل از کشت با محلول واکتکس (هیپوکلرید سدیم ۵/۰ درصد) ضدغونی شدند و در پتروی حاوی کاغذ صافی قرار داده شدند. به منظور جوانه‌زنی، ظروف به دستگاه ژرمیناتور انتقال داده و دمای پایه ژرمیناتور  $25\pm 1$  درجه سانتی‌گراد در نظر گرفته شد. سپس بذور جوانه‌دار شده جهت خزانه‌گیری استفاده شدند. کشت برنج در گلدان‌هایی با ارتفاع ۱۸ سانتی‌متر و قطر دهانه ۲۱ سانتی‌متر، در مرحله ۲ تا ۳ برگی انجام شد. در این آزمایش برای حفظ ثبات در محیط ریشه و کنترل میزان نمک و املال موجود در آن، از محیط کشت ماسه استفاده شد. ژنوتیپ‌های مورد نظر به گلدان‌هایی که تا ارتفاع معینی از ماسه نرم پر شده بودند، منتقل شدند. از هر ژنوتیپ برنج ۳ نشاء به داخل گلدان مربوطه با رعایت فاصله ۵ سانتی‌متر از هم کشت شدند. گلدان‌ها در داخل کرت‌هایی به ابعاد  $79 \times 97$  سانتی‌متر (کرت اصلی) قرار داده شدند. تا استقرار کامل بوتهای برنج و طی شدن مرحله گیاه‌چهای، کرتهایا با محلول هوگلند کامل (pH=۶/۵) تغذیه شدند. با رسیدن گیاهان به مرحله ۴ تا ۵ برگی، با اضافه کردن NaCl به میزان لازم برای فراهم کردن غلظت‌های ۰، ۴۴، ۸۸ و ۱۳۲ میلی‌مولار تنش شوری اعمال شد. حجم محلول مورد استفاده برای تمامی کرتهای ۵۰ لیتر بود. هر ۸ روز یک بار محلول را تعویض کرده و جهت جلوگیری از تجمع نمک درون گلدان‌ها، آبیاری به مدت ۲ روز با آب لوله‌کشی انجام شد. در تمام مدت رشد رویشی و زایشی تنش شوری اعمال شد.

پروتئین و فعالیتهای آنزیمی ضروری است Shiro *et al.*, 1995) (Marschner, 2002)، ارتباط بین توزیع و تجمع سدیم و آسیب وارد به برگ ناشی از شوری را در گیاهچه‌های برنج بررسی کردند و نشان دادند که تجمع سدیم در برگ‌های مسن تر بیشتر است. همچنین مقدار کلروفیل در چهارمین برگ، نسبت به برگ‌های دیگر کمتر بود. نتایج این مطالعه نشان داد که در مقایسه با غلظت سدیم برگ، ارتباط بین سن برگ با آسیب ناشی از شوری قوی‌تر است. استفاده از روش چند متغیره تجزیه به عامل‌ها در شناسایی عوامل مستقلی که به طور جداگانه بر صفات مهم گیاهی مؤثر باشند حائز اهمیت بوده و روز به روز گسترش می‌یابد. با توجه به استفاده از چرخش واریماکس که واریانس بین عوامل را حداقل می‌نماید، عواملی که درصد بیشتری از کل تغییرات بینصفات را تبیین می‌کند از اهمیت بیشتری برخوردار بوده و باقیستی مورد بررسی قرار گیرند. بدین ترتیب صفات مؤثر در هر عامل شناسایی شده و عوامل نیز بر اساس مؤثرترین صفات نام‌گذاری می‌گردند. این روش بهمود ژنتیکی عوامل را به واسطه صفات مرتبط با آن‌ها امکان‌پذیر می‌سازد (Gholparvaret *et al.*, 2003). مختصصین اصلاح نباتات معتقدند که هتروزیس یا برتری دورگها بر میانگین والدین، به فاصله ژنتیکی بین والدین بستگی دارد. یکی از اهداف بهنژادگران دسته‌بندی ارقام و واریته‌های مختلف به منظور بی‌بردن به فاصله ژنتیکی و استفاده از تنوع آن‌ها در برنامه‌های اصلاحی است (Moghadam *et al.*, 1995; Farshadfar, Zeynalinejadet *et al.*, 1999). زینعلی‌نژاد و همکاران (Zeynalinejadet *et al.*, 1999) با استفاده از میانگین ۱۳ صفت بر روی ۱۰۰ ژنوتیپ برنج، گزارش نمود که سه عامل پرشنده دانه، قد و استحکام گیاه و شکل دانه، در مجموع ۹۰ درصد تنوع کل را توجیه می‌نمایند. طوسی‌ مجرد و همکاران (TousiMojaradet *et al.*, 2007) با استفاده از تجزیه به عامل‌ها برای عملکرد دانه و سایر خصوصیات گندم، گزارش دادند که ۵ عامل در مجموع ۶۷/۷ درصد از تنوع کل را توجیه نمود. در بررسی زینعلی‌نژاد و همکاران (Zeynalinejadet *et al.*, 1999) ژنوتیپ برنج بر مبنای صفات مورفو‌لوزیک، ژنوتیپ‌ها را در ۴ گروه قرار داد.

هدف از انجام این پژوهش، بررسی ساختار صفات و تعیین

جدول ۱. ژنوتیپ‌های برنج مورد ارزیابی  
Table 1. Evaluated Rice genotypes

ردیف Row	ژنوتیپ Genotype	منشأ Origin	واکنش به شوری reaction to salinity
1	غريب <sup>*</sup> Gharib	مؤسسة تحقیقات برنج کشور-گیلان Iran Rice Research Institute -Guilan	تحمل Tolerance
2	محلي ياسوج Yasouj local	کهگیلویه و بویراحمد - یاسوج Kohgiluyeh and Boyer-Ahmad - Yasouj	نامعلوم Unknown
3	چمپای لوداب Loudab- champa	کهگیلویه و بویراحمد- لوداب Kohgiluyeh and Boyer-Ahmad - Loudab	نامعلوم Unknown
4	شهری لوداب Loudab- shahri	کهگیلویه و بویراحمد- لوداب Kohgiluyeh and Boyer-Ahmad - Loudab	نامعلوم Unknown
5	٣٠٤ 304	مؤسسة تحقیقات برنج کشور- گیلان Iran Rice Research Institute- Guilan	نامعلوم Unknown
6	لنجان عسکري Lenjan- Askari	اصفهان- فلارد Esfahan-Felard	نامعلوم Unknown
7	كامفيروز Kamfirouz	فارس- كامفيروز Fars-Kamfirouz	نامعلوم Unknown
8	دمسياه ممسني Mammaasani-Domsiah	فارس- ممسني Fars-Mammaasani	نامعلوم Unknown
9	موسي طارم <sup>*</sup> Mousa-Tarom	مؤسسة تحقیقات برنج کشور- گیلان Rice Research Institute - Guilan	نسبتاً تحمل Relatively Tolerance
10	حسن سرائي <sup>*</sup> Hasan-Seraie	مؤسسة تحقیقات برنج کشور- گیلان Iran Rice Research Institute- Guilan	نسبتاً تحمل Relatively Tolerance
11	دولار Dollar	أمريكا American	نامعلوم Unknown

\* بر اساس گزارش صبوری و همکاران (2007).

اسپکتروفوتومتر قرائت شد. قبل از انجام قرائتهای فوق، استانداردهایی از گلوكز با غلظت‌های ۰، ۰۵، ۰۱، ۰۰۵ و ۰۰۰۱ قسمت در میلیون (پی‌پی‌ام) تهیه شد و کلیه مراحل مذکور روی آن‌ها انجام شد. سپس منحنی کالیبراسیون با استفاده از استاندارد گلوكز رسم و میزان قندهای محلول نمونه‌ها بر اساس میلی‌گرم در هر گرم وزن تر برگ محاسبه شدند (Torknezhad, 2000).

برای اندازه‌گیری پرولین از روش پاکوئین و لچازر (Paquin and Lechasseur) و به نقل از جوان و همکاران (Juan et al., 2002) استفاده شد. ابتدا به تعداد تیمارها لوله آزمایش درب‌دار به حجم حداقل ۳۰ میلی‌لیتر تهیه شد. یک میلی‌لیتر از عصاره الکلی به لوله‌های مذکور منتقل و ۱۰ میلی‌لیتر آب دوبار تقطیر به هر لوله اضافه شد. سپس ۵ میلی‌لیتر ناین‌هیدرین به نمونه‌ها اضافه شده و به مدت ۱۶ ساعت با استفاده از همزن به هم زده تا کاملاً حل شود. بعد از آن ۵ میلی‌لیتر اسید استیک گلاشیال (۹۹٪) به هر نمونه اضافه و نمونه‌ها به مدت

اندازه‌گیری صفات مختلف بیوشیمیایی (کلروفیل، قندهای محلول، پرولین و پروتئین محلول برگ) و شیمیایی یک ماه پس از اعمال تنش شوری صورت گرفت. میزان کلروفیل برگ‌های ژنوتیپ‌های مختلف برنج با استفاده از دستگاه کلروفیل‌متر (JapanSPAD-502 Readings Minolta)،

برای اندازه‌گیری قندهای محلول از روش ایریگوئن و همکاران (Irigoyen et al., 1992) استفاده شد. بدین صورت که ابتدا به تعداد تیمارهای آزمایشی لوله‌های دربدار انتخاب شد. یکدهم میلی‌لیتر از عصاره الکلی انتخاب و داخل لوله آزمایش ریخته شد. سپس ۳ میلی‌لیتر آنترون تازه، تهیه شده و به لوله آزمایش اضافه و به مدت ۱۰ دقیقه در حمام آب گرم قرار داده شد. برای تهیه آنترون، ۱۵۰ میلی‌گرم آنترون در ۱۰۰ میلی‌لیتر اسید سولفوریک ۷۲٪ (V/V) حل شد. پس از خنک شدن نمونه‌ها در محیط آزمایشگاه، میزان جذب نمونه‌ها در طول موج ۶۲۵ نانومتر با استفاده از دستگاه

برای تعیین قرابت ژنتیپ‌های مورد بررسی و گروه‌بندی آن‌ها براساس صفات شیمیایی و بیوشیمیایی و پس از استاندارد کردن مشاهدات، از تجزیه خوش‌های به روش حداقل واریانس وارد بر مبنای فاصله اقلیدسی مشاهدات حاصل از آزمایش در شرایط بدون تنفس و شرایط تنفس شوری (متوسط سطوح شوری ۸۸، ۴۴ و ۱۳۲ میلی‌مولا) به عنوان معیار فاصله استفاده شده و تعداد خوش‌های به کمک آزمون  $T^2$  کاذب هتلینگ انجام و مورد تأیید F بیل قرار گرفته و دندروگرام آن رسم شد. برای انجام تجزیه کلاستر و تجزیه به عامل‌ها از میانگین داده‌های استاندارد شده استفاده شد. تجزیه داده‌ها با استفاده از نرم‌افزارهای SAS 9.1 (2002) و StatGraphics 2.1 (2012) استفاده و ترسیم نمودارها با استفاده از نرم‌افزار Excel صورت گرفت.

### نتایج و بحث

نتایج حاصل از تجزیه واریانس نشان داد که اثر متقابل ژنتیپ  $\times$  شوری برای صفات پرولین و پروتئین برگ، سدیم برگ و ریشه و پتابسیم ریشه معنی‌دار و برای بقیه صفات مورد مطالعه غیرمعنی‌دار و اثر تنفس شوری و ژنتیپ برای تمامی صفات به جز پتابسیم و نسبت سدیم به پتابسیم برگ معنی‌دار ( $p < 0.01$ ) بودند (جدول ۲). این موضوع بیانگر آن است که تمامی صفات اندازه‌گیری شده تحت تأثیر اثرات اصلی فاکتورهای اعمال شده قرار گرفته و تغییر کرده‌اند. اثر متقابل شوری  $\times$  ژنتیپ برای کلروفیل غیرمعنی‌دار بود، که بیانگر این است که تغییر در میزان کلروفیل برگ در سطوح متفاوت شوری به نوع ژنتیپ‌های مورد مطالعه بستگی نداشته و با توجه به میانگین کلروفیل، با افزایش شدت تنفس، میزان کلروفیل برگ تمامی ژنتیپ‌ها کاهش یافته و در برخی سبب بی‌رنگی برگ‌ها شده‌است. ژنتیپ‌ها از لحاظ کلیه صفات مورد بررسی بجز نسبت سدیم به پتابسیم برگ تفاوت معنی‌داری با هم داشتند که نشان‌دهنده تنوع بین ارقام بود و عمل انتخاب را می‌توان برای صفات مرتبط با تنفس شوری و میزان حداقلی عملکرد ژنتیپ‌ها را در شرایط تنفس شوری فراهم ساخت. نتایج بررسی صالح (Saleh, 2000) نشان داد که با افزایش سطوح کلرید سدیم،  $12/5$  و  $5/5$  میلی‌اکی والان در کیلوگرم، کاهش وزن اندام

۴۵ دقیقه داخل حمام آب گرم (بن‌ماری) قرار داده شدند. سپس نمونه‌ها خارج شده و در دمای محیط خنک شدند. بعد از آن، به هر نمونه ۱۰ میلی‌لیتر بنزن اضافه و به شدت تکان داده شدند، تا پرولین وارد فاز بنزن شد. بعد از این مرحله، نمونه‌ها به مدت نیم ساعت به حالت سکون نگهداری و سپس میزان جذب نور نمونه‌ها در طول موج ۵۱۵ نانومتر با استفاده از اسپکتروفوتومتر (مدل Shimadzo54A) قرائت شد.

برای اندازه‌گیری پروتئین از روش لیو و هانگ (Liu and Huang, 2000) استفاده شد. دویست میلی‌گرم از بافت برگ نگهداری شده در فریزر (دمای  $-40$  درجه سانتی‌گراد) در هاون چینی سرد و در ظرف یخ با ۲ میلی‌لیتر بافر فسفات  $1/10$  مولار با اسیدیته  $6/8$  یکنواخت شده (هموزن) و سپس به مدت ۱۵ دقیقه با سرعت  $13000$  دور در دقیقه در دمای  $4$  درجه سانتی‌گراد، سانتریفیوز شد. فاز بالایی عصاره (سوپرناتانت) به دست آمده برای اندازه‌گیری پروتئین محلول، مورد استفاده قرار گرفت. همه سوپرناتانت به میکروتیوب انتقال داده شده و در یخچال با دمای  $-20$  درجه سانتی‌گراد نگهداری شدند. پنجاه میکرولیتر از سوپرناتانت برداشته شده و  $2/5$  میلی‌لیتر محلول برادرفرد به آن اضافه کرده و جذب نمونه در طول موج  $595$  نانومتر با دستگاه اسپکتروفوتومتر قرائت شد. به منظور اندازه‌گیری غلظت یون‌های سدیم و پتابسیم و توزیع آن‌ها در برگ و ریشه، نمونه‌های برداشت شده با آب قطره کاملاً شسته و به مدت دو روز در دمای  $70$  درجه سانتی‌گراد در آون خشک شدند. دویست میلی‌گرم از نمونه‌های خشک شده برگ‌ها و یک گرم از نمونه‌های خشک شده ریشه‌ها توزین و در کوره با دمای  $500$  درجه سانتی‌گراد به مدت  $5$  ساعت خاکستر شدند. با اضافه کردن  $5$  میلی‌لیتر اسید کلریدریک دو نرمال به خاکستر حاصله، مخلوط حاصله روی هیتر قرار داده شد. با شروع جوشیدن، محلول حاصل را از کاغذ صافی عبور داده و حجم نمونه‌ها با آب دوبار تقطیر به  $100$  میلی‌لیتر رسانیده شد. سپس مقادیر سدیم و پتابسیم نمونه‌های برگی و ریشه‌ای با استفاده از دستگاه فلیم‌فوتومتر بر حسب میلی‌گرم بر گرم برگ خشک، قرائت شده و اعداد قرائت شده با مقایسه با نمودارهای استاندارد تعديل شدند و در نهایت Patterson et al., (1984).

جدول ۲- تجزیه واریانس صفات بیوشیمیایی و شیمیایی رقم مختلف برنج تحت تنشی شوری

Table 2. Analysis of variance for biochemical and chemical traits of rice varieties under salt stress									
منابع تنفسات	درجه ازادی df	کلوفل Chlorophyll	قدنهای	برگ سدیم Na-leaf	پتانسیل برگ Na/K leaf	نسبت مذابین برگ Na/K root	نسبت مذابین برگ Na/K root	نسبت مذابین برگ Na/K root	نمایندگی داده Grain Yield
بلوک Block	2	4.62 <sup>ns</sup>	9717.02 <sup>**</sup>	0.007 <sup>**</sup>	9677.06 <sup>ns</sup>	51.18 <sup>ns</sup>	327.08 <sup>ns</sup>	446.73 <sup>ns</sup>	434169.55 <sup>**</sup>
مخلوط گلخانه ای Genotype	3	369.57 <sup>**</sup>	10612.33 <sup>**</sup>	0.071 <sup>**</sup>	1.06 <sup>**</sup>	1373366.35 <sup>**</sup>	33.84 <sup>ns</sup>	3582.52 <sup>**</sup>	11993.45 <sup>**</sup>
شوری Salinity	6	12.002	72.83	0.0002	0.010	12368.69	61.90	173.00	175.57
خطای a, b Error a	10	79.96 <sup>**</sup>	12436.07 <sup>**</sup>	0.0112 <sup>**</sup>	2.05 <sup>**</sup>	24833.54 <sup>**</sup>	58.09 <sup>**</sup>	117.29 <sup>ns</sup>	810.63 <sup>**</sup>
زنوتیپ Genotype	30	9.83 <sup>ns</sup>	132.73 <sup>ns</sup>	0.0012 <sup>**</sup>	0.62 <sup>**</sup>	15580.18 <sup>*</sup>	20.91 <sup>ns</sup>	89.57 <sup>ns</sup>	351.11 <sup>*</sup>
مخلوط گلخانه ای × شوری Genotype × Salinity	80	10.55	301.31	0.0005	0.016	8168.42	21.40	69.76	212.01
خطای b Error b		9.63	21.52	24.54	8.24	20.54	28.07	29.02	23.07
ضریب تنفسات درصد (%) CV (%)								20.83	29.42
									23.79

ns, \* and \*\* Non-significant and significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

\*, \*\*, ٪ ترتیب غیر معنی دار و معنی دار در سطح اختصاری ۱٪ و ۵٪.

سدیم ریشه و نسبت سدیم به پتاسیم برگ و ریشه همبستگی منفی و معنی دار وجود داشت، این رابطه حاکی از آن است با افزایش این صفات عملکرد دانه کاهش می یابد که احتمال دارد با افزایش این صفات شرایط محیط شور شده و در نهایت کاهش عملکرد دانه را به همراه دارد. همبستگی بین کلروفیل و پروتئین برگ در شرایط تنفس معنی دار نبودند، که با نتایج حسینیان و همکاران (Hosseiniyan *et al.*, 2012) در بررسی ژنتوپیپهای مختلف آجیلوپس ایران مطابقت داشت. همبستگی بین صفات قندهای محلول با کلروفیل، پتاسیم برگ با پروتئین محلول برگ، نسبت سدیم به پتاسیم برگ با پتاسیم برگ، سدیم ریشه با پروتئین برگ، پتاسیم ریشه با قندهای محلول و پرولین برگ و نسبت سدیم به پتاسیم ریشه با کلروفیل، پروتئین برگ و پتاسیم برگ منفی و معنی دار بود. در شرایط تنفس در این پژوهش همبستگی بین پرولین و پروتئین برگ معنی دار نبود. این امر نشان می دهد که فعالیت پرولین و پروتئین برگ مستقل از هم می باشند و بنابراین می توان امیدوار بود که افزایش پرولین که راه کاری از سوی گیاه برنج برای ایجاد مقاومت می باشد، سبب کاهش پروتئین نشود. به دیگر سخن، افزایش پرولین به ضرر پروتئین نبوده است. همبستگی بین میزان سدیم ریشه و نسبت سدیم به پتاسیم ریشه مثبت و در سطح ۰.۱٪ معنی دار بود، که بیانگر این است که احتمالاً با افزایش میزان سدیم ریشه، میزان سدیم به پرولین برگ نشان می دهد. همبستگی بین میزان سدیم با پرولین برگ مثبت و معنی دار شد. بین صفات کلروفیل، پتاسیم و نسبت سدیم به پتاسیم برگ و ریشه، سدیم ریشه در شرایط تنفس شوری معنی دار نشد، که با نتایج حسیبی و همکاران (Hassibi *et al.*, 2011) مطابقت داشت.

#### تجزیه به عامل ها

چنانچه در جدول های ۴ و ۵ مشاهده می شود، به منظور تعیین عامل های توجیه کننده خصوصیات مورد بررسی، تجزیه به عامل ها بر مبنای مقادیر ویژه بزرگتر از یک بر اساس روش تجزیه به مؤلفه های اصلی در شرایط عدم تنفس و تنفس ۵ و ۴ عامل شناسایی کرد که به ترتیب ۷۹/۷۹ و ۶۸/۱۰ درصد از تنوع کل داده ها را توجیه کردند. ضرایب عاملی بزرگتر از ۰/۵ صرف نظر از علامت

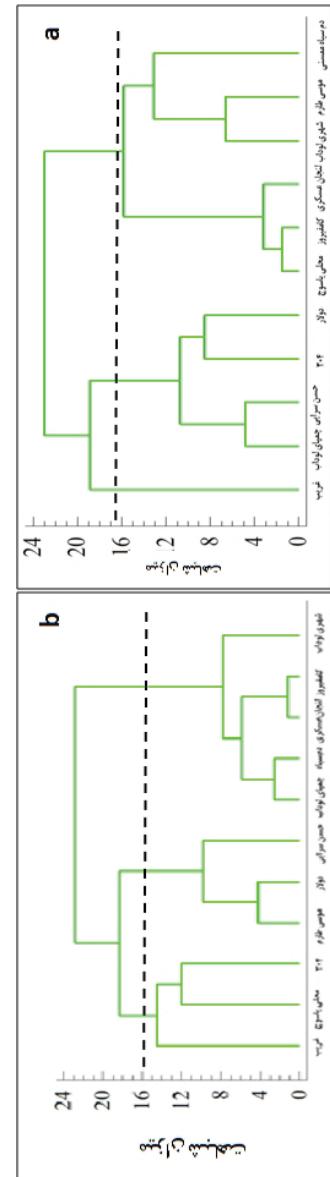
هوایی، سطح برگ و مقدار کلروفیل در گیاه برنج کاملاً مشهود است. جونز و ترنر (Jones and Turner, 1980) گزارش دادند که با افزایش شوری، غلظت کربوهیدرات های محلول در شرایط شور زیاد می شود. در اکثر مطالعات انجام شده روی گیاهان مختلف، مردانه تر زاد و وزیرپور (Mardaninezhad and Vazirpour, 2008) در برنج، کومار و همکاران (Kumar *et al.*, 2007) در برنج، وندروسکول و همکاران (Vendruscolo *et al.*, 2007) در گندم تاریخته و سایرام و تیاگی (Sairam and Tyagi, 2004) در کلزا نشان دادند که مقدار پرولین در اثر شوری بطور معنی داری افزایش یافته است، که نتایج تحقیق حاضر نیز با این گزارشات مطابقت داشت.

#### همبستگی صفات

بررسی ضرایب همبستگی بین صفات مختلف باعث می شود تا بتوان در مورد شاخص های غیر مستقیم انتخاب و حذف صفات غیر مؤثر بطور دقیق تصمیم گیری نمود (Gholparvar *et al.*, 2003). نتایج حاصل از تجزیه و تحلیل همبستگی داده ها نشان داد که همبستگی مثبت و معنی داری بین کلروفیل و پروتئین محلول برگ در شرایط بدون تنفس وجود دارد، می توان چنین استنباط نمود که ژنتوپیپهای با محتوای کلروفیل بالا دارای پروتئین بالاتری نیز هستند. بالاترین میزان همبستگی در شرایط عدم تنفس بین کلروفیل و پروتئین محلول برگ (۰/۵۹) بود (جدول ۳). بین کلروفیل و عملکرد دانه در شرایط بدون تنش همبستگی مثبت و معنی دار وجود داشت، که این رابطه بیانگر آن است که با افزایش کلروفیل، عملکرد دانه افزایش می یابد. همبستگی بین میزان سدیم و پتاسیم برگ با میزان قندهای محلول برگ معنی دار نشد که با نتایج نعمتی و همکاران (Nemati *et al.*, 2010) مطابقت داشت. به طور کلی همبستگی بین صفات در شرایط تنفس بیشتر از بدون تنفس بود. در شرایط تنفس بین عملکرد دانه و کلروفیل و پرولین برگ و پتاسیم ریشه همبستگی مثبت و معنی دار وجود داشت، که بیانگر این مطلب است که افزایش کلروفیل، پرولین برگ و پتاسیم ریشه افزایش عملکرد دانه را به همراه دارد. همبستگی مثبت و معنی دار بین پتاسیم برگ و نسبت سدیم به پتاسیم ریشه وجود داشت که این نشان دهنده وابستگی فعالیت این دو صفت با هم می باشد. در شرایط تنفس بین عملکرد دانه و صفات

جدول ۳- ضرایب همبستگی ماده بین صفات بیوشیمیایی و شیمیایی ارقام مختلف بروج در شرایط عدم تنش (بالی قطر) و تنش (پایین قطر)

ns, \* and \*\* Non-significant and significant at 5% and 1% probability levels, respectively.



شکل ۱- دندونگرام حاصل از بررسی زنوتیپ‌های برنج در شرایط بدون تنش (a) و تنش (b) با استفاده از روش وارد.

Figure 1. Dendrogram resulted from study of rice genotypes in non-stress (a) and stress (b) conditions using Ward's method.

### تجزیه خوشای

براساس نتایج تجزیه خوشای در شرایط بدون تنش، ژنوتیپ‌های مورد مطالعه در ۳ گروه مجزا قرار گرفتند (شکل ۱-a). براساس دندروگرام حاصله، ژنوتیپ غریب در گروه اول قرار گرفت. در گروه دوم، ژنوتیپ‌های چمپای لوداب، حسن‌سراپی، ۳۰۴ و دolar قرار گرفتند. گروه سوم، ژنوتیپ‌های محلی یاسوج، کامفیروز، لنجان عسکری، شهری لوداب موسی طارم و دمسیاه ممسمی قرار گرفتند. در شرایط تنش در فاصله ۱۶ تعداد ۳ کلاستر بوجود آمد (شکل ۱-b). کلاستر اول شامل ژنوتیپ‌های غریب، محلی یاسوج و ۳۰۴ بود. در کلاستر دوم، ژنوتیپ‌های موسی طارم، دلار و حسن سراپی قرار گرفتند. ژنوتیپ‌های چمپای محلی لوداب، دمسیاه ممسمی، لنجان عسکری، کامفیروز و شهری لوداب در کلاستر سوم واقع شدند که نشان دهنده این مطلب است که این ژنوتیپ‌ها از نظر صفات مورد بررسی در این پژوهش بیشترین قربات را با هم داشتند. نتایج دیگر محققین نشان داد که رقم غریب نسبت به شرایط شوری در مرحله جوانه‌زنی (Mohammadzadeh, et al., 2009) و یا شرایط مزرعه-ای (2007) Sabouriet et al., رقمی متحمل بود. رقم حسن سراپی نیز رقمی متحمل (Mohammadzadeh et al., 2009; Moumeni, et al., 2009) و یا نسبتاً متحمل (Sabouri et al., 2007) گزارش شده است. رقم موسی طارم نیز در شرایط رشد رویشی در شرایط گلخانه‌ای (MirdarMansuri, et al., 2009) و در شرایط مزرعه‌ای بسته به شدت تنش رقمی نسبتاً متحمل تا متحمل (Sabouri et al., 2007) گزارش شده است. براساس گروه‌بندی گزارش شده (Sabouri et al., 2007)، ارقام غریب، موسی طارم و حسن سراپی در یک گروه از نظر مقاومت به تنش شوری قرار گرفتند. با بررسی نتایج حاصل از همبستگی صفات و نیز تجزیه به عامل‌ها در شرایط تنش، ژنوتیپ‌های گروه سوم از لحاظ صفات مورد بررسی وضعیت بهتری از لحاظ تحمل به شوری و صفات موردن بررسی نسبت به کلاستر اول دارد، لذا در برنامه‌های اصلاحی می‌توان از تلاقی ژنوتیپ‌های کلاستر اول با کلاستر سوم، جهت هتروزیس و تنوع ژنتیکی لازم برای ایجاد و شناسایی ژنوتیپ‌های متحمل از نظر شوری استفاده کرد.

مریوطه، به عنوان ضرایب عاملی معنی‌دار در نظر گرفته شدند و بر این اساس در شرایط عدم تنش عامل اول و چهارم و پنجم در مجموع ۴۳/۲۸ درصد از تغییرات کل داده‌ها را توجیه می‌کردند، که صفات کلروفیل و پروتئین برگ در عامل اول، قندهای محلول در عامل چهارم و پروولین برگ در عامل پنجم بیشترین تأثیر مثبت و معنی‌دار را شامل شدند که می‌توان آن‌ها را عوامل مؤثر بر صفات بیوشیمیایی نامگذاری کرد. عامل دوم و عامل سوم که در مجموع ۳۳/۵ درصد از تغییرات کل را توجیه می‌کردند، که عامل دوم شامل صفات سدیم برگ و ریشه، نسبت سدیم به پتاسیم برگ و پتاسیم ریشه و عامل سوم شامل پتاسیم و نسبت سدیم به پتاسیم ریشه که بیشترین تأثیر را داشتند که به عنوان عامل مؤثر بر عناصر معدنی نامگذاری شدند. در شرایط تنش عامل اول، دوم و چهارم که در مجموع ۵۵/۴۹ درصد از تنوع کل را توجیه می‌کردند که صفات قندهای محلول، سدیم و نسبت سدیم به پتاسیم ریشه بیشترین تأثیر مثبت و پتاسیم ریشه بیشترین تأثیر منفی را در عامل اول، صفات پتاسیم و نسبت سدیم به پتاسیم برگ به ترتیب دارای بیشترین تأثیر مثبت و منفی در عامل دوم و صفات سدیم برگ و نسبت سدیم به پتاسیم برگ دارای بیشترین تأثیر مثبت و معنی‌دار را در عامل چهارم داشتند، که مؤلفه‌های مؤثر بر عناصر معدنی نامگذاری شدند (جدول ۵). در عامل سوم بزرگترین ضرایب عاملی متعلق به پروولین، پروتئین برگ و عملکرد دانه بود، با توجه به آنکه افزایش در میزان پروولین و پروتئین در شرایط تنش شوری باعث افزایش تحمل به تنش می‌شود، لذا نام این عامل را مؤلفه تحمل به شوری نامگذاری می‌کنیم. قربانی و همکاران (Ghorbani et al., 2012) برای گروه‌بندی ژنوتیپ‌های مختلف برج با استفاده از تجزیه به عاملی و تجزیه خوشای، تعداد ۳ عامل اصلی و مستقل را گزارش دادند که ۷۷/۷۲ درصد از تغییرات کل داده‌ها را توجیه می‌کردند. این ۳ عامل تحت عنوان عوامل مربوط به خصوصیات مورفو‌لوزیک، عملکرد و اجزای عملکرد و فنولوژیک نامگذاری شدند. با توجه نتایج به دست آمده از تجزیه به عامل‌ها می‌توان در شرایط تنش این گونه نتیجه‌گیری نمود که انتخاب مقادیر بالای عامل سوم (مؤلفه تحمل به شوری) احتمالاً نشان‌دهنده انتخاب ژنوتیپ‌های دارای تحمل بالا به شرایط تنش می‌باشد.

جدول ۴- تجزیه به عامل‌ها برای صفات بیوشیمیایی و شیمیایی در شرایط بدون تنش

Table 4. Factor analysis for biochemical and chemical traits under non-stress condition

Studied traits	صفات مورد بررسی	عامل اول Factor 1	عامل دوم Factor 2	عامل سوم Factor 3	عامل چهارم Factor 4	عامل پنجم Factor 5	عامل ششم Factor 6	میزان اشتراک Communality
Chlorophyll (SPAD)	کلروفیل	<b>0.82</b>	-0.16	-0.10	-0.16	0.22	0.79	
Leaf soluble sugars	قندهای محلول برگ	-0.15	0.03	-0.01	<b>0.92</b>	0.16	0.90	
Leaf proline	پرولین برگ	-0.03	-0.17	-0.25	0.20	<b>0.81</b>	0.79	
Leaf protein	پروتئین برگ	<b>0.77</b>	0.27	0.03	-0.39	-0.05	0.84	
Leaf Na	سیدیم برگ	-0.42	<b>0.57</b>	-0.04	-0.04	0.17	0.54	
Leaf K	پتاسیم برگ	0.10	-0.04	<b>0.88</b>	-0.09	-0.17	0.82	
Leaf Na/K	سدیم به پتاسیم برگ	0.07	<b>0.78</b>	0.10	0.18	-0.27	0.73	
Root Na	سدیم ریشه	0.17	<b>0.60</b>	0.31	0.11	0.48	0.73	
Root K	پتاسیم ریشه	0.08	0.72	-0.32	-0.26	-0.18	0.73	
Root Na/K	سدیم به پتاسیم ریشه	-0.36	0.02	<b>0.77</b>	0.06	0.00	0.73	
Grain yield	عملکرد دانه	<b>-0.71</b>	-0.06	0.23	-0.31	0.40	0.83	
Eigen value	مقادیر ویژه	2.51	2.02	1.66	1.19	1.05	-	
Variance (%)	درصد واریانس	22.89	18.39	15.11	10.83	9.56	-	
Cumulative variance (%)	درصد واریانس تجمعی	22.89	41.28	<b>56.39</b>	<b>67.23</b>	<b>76.79</b>	-	

جدول ۵- تجزیه به عامل‌ها برای صفات بیوشیمیایی و شیمیایی در شرایط تنش

Table 5. Factor analysis for biochemical and chemical traits under stress condition

Studied traits	صفات مورد بررسی	عامل اول Factor 1	عامل دوم Factor 2	عامل سوم Factor 3	عامل چهارم Factor 4	عامل ششم Factor 6	میزان اشتراک Communality
Chlorophyll (SPAD)	کلروفیل	-0.48	0.33	-0.31	0.04	0.44	
Leaf soluble sugars	قندهای محلول برگ	<b>0.56</b>	-0.26	0.25	0.12	0.46	
Leaf proline	پرولین برگ	0.17	0.16	<b>0.76</b>	0.33	0.75	
Leaf protein	پروتئین برگ	-0.38	-0.36	<b>0.62</b>	-0.15	0.67	
Leaf Na	سیدیم برگ	0.00	0.03	0.00	<b>0.94</b>	0.89	
Leaf K	پتاسیم برگ	0.07	<b>0.91</b>	0.08	0.18	0.88	
Leaf Na/K	سدیم به پتاسیم برگ	-0.09	<b>-0.78</b>	-0.08	<b>0.54</b>	0.92	
Root Na	سدیم ریشه	<b>0.68</b>	0.16	-0.14	-0.21	0.55	
Root K	پتاسیم ریشه	<b>-0.68</b>	-0.17	-0.21	-0.05	0.55	
Root Na/K	سدیم به پتاسیم ریشه	<b>0.87</b>	0.10	0.01	0.05	0.77	
Grain yield	عملکرد دانه	-0.31	-0.16	<b>0.64</b>	0.20	0.58	
Eigen value	مقادیر ویژه	2.85	1.90	1.39	1.36	-	
Variance (%)	درصد واریانس	25.88	17.27	12.61	12.35	-	
Cumulative variance (%)	درصد واریانس تجمعی	25.88	43.15	55.76	68.10	-	

معرفی شدند که بیشترین میزان تنوع را تبیین می‌کردند. از آن‌جاییکه بهنژادگران بیشتر دنبال تغییرات حاصل از شرایط محیطی و تنش هستند (که باعث کاهش عملکرد و کیفیت می‌شوند) لذا عامل سوم در شرایط تنش (دارای مقادیر مثبت و بالایی از میزان پرولین و پروتئین برگ) مؤلفه تحمل به شوری نامگذاری شد. با توجه به تجزیه به عامل‌ها می‌توان صفات پرولین و پروتئین را که نقش مفید و بسیار مؤثری در تنش‌های غیر زنده از جمله تنش شوری

نتیجه گیری کلی ژنتیپ‌ها و لاینهای برنج در شرایط تنش‌های محیطی مختلف عکس‌العمل‌های متفاوتی از خود نشان می‌دهند که بررسی این عکس‌العمل‌ها و تغییرات آن‌ها، از نظر اصلاح نباتات اهمیت ویژه‌ای دارد. لذا جهت دست‌یابی به بهترین ترکیبات بیوشیمیایی و شیمیایی در این پژوهش، از تجزیه به عامل‌ها در شرایط بدون تنش و تنش استفاده شد. در شرایط تنش و بدون تنش به ترتیب ۴ و ۵ عامل

جهت رسیدن به حداکثر تنوع و هتروزیس، تلاقی گروههای اول و سوم امید بخش خواهد بود.

### سپاسگزاری

از کارشناسان محترم آرمايشگاههای ژنتیک و مرکزی دانشکده کشاورزی دانشگاه یاسوج سرکار خانمها مهندس حکیمه کرمی و مهندس سمیه حاجیزاده به خاطر همکاری در اجرای این تحقیق صمیمانه سپاسگزاری می‌شود.

دارند، جهت گزینش ژنوتیپ‌های متحمل به شوری در نظر گرفت. نتایج حاصل از تجزیه خوشهای نشان داد که ژنوتیپ‌های خوشه سوم (ژنوتیپ‌های چمپای محلی لوداب، دمسیاه ممسنی، لنجان عسکری، کامفیروز و شهری لوداب) وضعیت بهتری از لحاظ صفات مورد بررسی نسبت به تنفس شوری از خود نشان دادند. ژنوتیپ‌های گروه اول (غیرب، محلی یاسوج و ۳۰۴) نسبت به گروه سوم وضعیت خوبی نسبت به تنفس شوری از خود نشان ندادند و لذا

### References

- Akbar, M., Gunawardena, L.E. and Ponnapereuma, F. N. 1986.** Breeding for soil stresses. In: Progress in rainfed lowland rice. International Rice Research Institute, Manila, Philippines, pp: 263-272
- Casano, L. M, Lascano, H. R. and Trippi, V. S. 1994.** Hydroxyl radicals and a thylakoid bond and peptidase are involved in light and oxygen induced proteolysis in at chloroplast. **Plant Cell Physiology** 35: 145-152.
- DuNing, X., Lix, Y., Song, D. and Yang, G. 2007.** Temporal and spatial dynamical simulation of groundwater characteristics in Minqin Oasis. **Science China Ser D-Earth Science** 2: 261-273.
- Farshadfar, A. 1999.** Application of quantitative genetics in plant breeding (Vol. 1). Kermanshah University Press. (In Persian).
- Flowers, T. J., Troke, P. F. and Yeo, A. R. 1977.** The mechanisms of salt tolerance in halophytes. **Annual Review of Plant Physiology** 28: 183-221.
- Fotokian, M. 2005.** QTL analysis of genes related to salinity tolerance and grain quality in rice. Ph.D. Dissertation, University of Tehran, Iran. (In Persian).
- Gholparvar, A. R., Ghanadha, M. R., Zali, A. A. and Ahmadi, A. 2003.** Evaluation of some morphological traits as selection criteria in breeding wheat. **Iranian Journal of Crop Sciences** 4 (3): 202-208. (In Persian).
- Ghorbani, H. R., Samizadehlahiji, H., Rabiei, B. and Allahgholipour, M. 2012.** Grouping different rice genotypes using factor and cluster analysis. **Journal of Agriculture and Stable Production** 21 (3): 90-104. (In Persian).
- Hassibi, P., Zandiye, L., Ghaemmaghami, N., Rashidi Rezvan, N., Najafi, H. and GhaemMaghami, F. 2011.** Study of some physiological characteristics of two wheat (*Triticum aestivum* L.) cultivars under salinity stress from sodium and calcium chloride sources. **Crop Plant Physiology** 2: 3-24. (In Persian).
- He, D. Y. and Yu, S. W. 1995.** In vitro selection of a high proline producing variant from rice callus and studies on its salt tolerance. **Acta Phytophysiologica** 21 (1): 65-72.
- Hosseiniyan-Khoshroo, H., Bihamta, M. R., Ali-Soltanni, A. and Aghaei, M. J. 2012.** Study and comparison of some biochemical characteristics in different genotypes of Iran *Agilops tauchii*. **Iranian Journal of Crop Sciences** 4: 649-661. (In Persian).
- Irigoyen, J. J., Emerich, D. W. and Sanchez-Diaz, M. 1992.** Water stress induced changes in concentrations of proline and total soluble sugars in nodulated alfalfa (*Medicago sativa*) plants. **Physiologia Plantarum** 84: 55-60.
- Jeschke, W. D. 1984.** K-Na exchange at cellular membranes, intracellular compartment of cations, and salt tolerance. In: Staples, R. C. and Toenniessen, G. H. (Eds.). Salinity tolerance in plants. strategies for crop improvement. John Wiley & Sons, New York, USA. pp: 37-66.
- Jiang, Y., and Huang, B. 2001.** Drought and heat stress injury to two cool-season turfgrass in relation to antioxidant metabolism and lipid peroxidation. **Crop Science** 41: 463-442.

- Jones, M. M. and Turner, N. C.** 1980. Osmotic adjustment in expanding and fully expanded leaves of sunflower in response to water deficits. *Australian Journal of Plant Physiology* 7: 181-192.
- Juan, M. R., Esteban, S., Pablo, C. G., Luis, R. L., Rosa, M. R. and Luis, R.** 2002. Proline metabolism and NAD kinase activity in green bean plants subjected to cold-shock. *Phytochemistry* 59: 473-478.
- Kazemi-Arbat, H. and Dahi, M.** 1996. Special Agronomy: Cereals (2<sup>nd</sup> ed.). Tehran University Press. 253 p.
- Kumar, V., Shiram, V., Jawali, N. and Shitole, M. G.** 2007. Differential response of indica rice genotypes to NaCl stress in relation to physiological and biochemical parameters. *Archives of Agronomy and Soil Science* 48: 339-344.
- Liu, X. and Huang, B.** 2000. Heat stress injury in relation to membrane lipid peroxidation in creeping. *Crop Science* 40: 503-510.
- Mardaninezhad, S. and Vazirpour, M.** 2008. Potential changes in viability proline and chlorophyll race rice genotypes under salinity stress. *Journal of Modern Agricultural Knowledge* 8 (3): 69-80. (In Persian).
- Marschner, H.** 1995. Mineral nutrition of higher plants. Academic press. pp:200-255.
- Mighani, P. and Ebrahimzadeh, H.** 2004. Response of leaf proteins of two wheat cultivars to salt stress. *Rostaniha* 4: 1-9. (In Persian).
- Mirdar Mansuri, S., Babaeian Jelodar, N. and Bagheri, N.** 2009. Resistance of Iranian rice (*Oryza sativa* L.) genotypes to NaCl stress. *Journal of Agronomy Sciences* 3: 49-58. (In Persian).
- Moghadam, M., Mohammadi, S. A. and Aghaei Sarbarze, M.** 1995. Introduction to multivariate statistical methods. (Translation). Parivar Publisher. 280 p. (In Persian).
- Mohammadzadeh, M., Norozi, M., Peighambari, S. A. and Nabipoor, A.** 2009. Evaluating the response of rice genotypes to salinity stress in germination stage. *Journal of Crop Breeding* 1: 10-21. (In Persian).
- Moumeni, A.** 2011. Geographical distribution and salinity of soil resources in Iran. *Iranian Journal of Soil Research* 24: 203- 215. (In Persian).
- Moumeni, A., Mohammadian, M. and Nouri, M. Z.** 2009. Field screening of rice genotypes for salinity tolerance in Mazandaran. *Electronic Journal of Crop Production* 2: 129-144. (In Persian).
- Nemati, F., Esmaeili, M. A. and Gholizadeh, S.** 2010. Ions and total soluble carbohydrates compartment in different leaves of rice genotypes in response to salt stress. *Journal of Plant Production* 16 (2): 143-158. (In Persian).
- Patterson, B., Macrae, E. and Ferguson, I.** 1984. Estimation of hydrogen peroxide in plant extracts using titanium (IV). *Annual Biochemical* 139: 487-492.
- Rathert, G.** 1983. Effects of high salinity stress on mineral and carbohydrate metabolism of two cotton varieties. *Plant and Soil* 73: 247-256.
- Sabouri, H., Rezaie, A. and Moumeni, A.** 2007. Evaluation of salinity tolerance in native and developed cultivars of Iranian rice. *Agricultural and Natural Resources Sciences and Technologies* 45: 47-63. (In Persian).
- Sairam, R. K. and Tyagi, A.** 2004. Physiology and molecular biology of salinity stress tolerance in plants. *Current Science* 86: 407-421.
- SAS Institute.** 2002. SAS user's guide: Statistics. Ver 9.1. SAS Institute Cary, NC.
- Shiro, M., Katsuya, Y., Michio, K., Mitsutaka, T. and Hiroshi, M.** 2002. Relationship between the distribution of Na and the damages caused by salinity in the leaves of rice seedling grown under a saline condition. *Plant Production Science* 5: 269-274.
- StatGraphics.** 2012. Statistical analysis and data visualization system (revised version). Stat Point Technologies, Incorporation.
- Torknezhad, A.** 2000. Study potential of ecological Iran's annual alfalfa. Ph.D. Dissertation, Trbiat Modares University, Iran. (In Persian).
- TousiMojaarad, M., Ghannadha, M. R., Khodarahmi, S. and Shahabi, S.** 2007. Factor analysis for grain yield and other attributes in bread wheat. *Pajouhsh & Sazandegi* 66: 9-16. (In Persian).
- Valipour, M., Karimian-Eqball, M., Malakouti, M. J. and Khoshgoftar Manesh, A. H.** 2008. Development of salinity and agricultural land degradation in Shams-Abad region of Qom

- province. **Agricultural and Natural Resources Sciences and Technologies** 46: 683- 691. (In Persian).
- Vendruscolo, E. C. G., Schuster, I., Pilegg, M., Scapim, C. A., Molinari, H. B. C., Marur, C. J. and Vieira, L. G. E.** 2007. Stress-induced synthesis of proline confers tolerance to water deficit in transgenic wheat. **Journal of Plant Physiology** 164 (10): 1367-1376.
- Wang, W. X., Vinocur, B. and Altman, A.** 2003. Plant responses to drought, salinity and extreme temperatures towards genetic engineering for stress tolerance. **Planta** 218: 1-14.
- Wyn, R. G., Gorham, J. and McDonnell, E.** 1984. Organic solute contents as selection criteria for salt tolerance in plants. In: Staples, R. C. and Toennissen, G. H. (Eds.). John Wiley. New York, USA. pp: 189-205.
- Zeynalinejad, Kh., Nematzadeh, Gh., Mirlouhi, A. F. and Rezaee, A.** 2000. Study of genetic diversity of some Iranian rice germplasms based on morphological traits. Proceedings of the 6<sup>th</sup> Iranian Crop Sciences Congress. 4-7 September, Mazandaran University, Babolsar, Iran. pp:88.

## Study of biochemical and chemical traits of different rice genotypes under salinity stress

Ahmad Majidimehr<sup>1</sup>, Reza Amiri-Fahliani<sup>2</sup> and Asad Masoumiasl<sup>2</sup>

1 and 2. M.Sc. Student and Assist. Profs., respectively, Dept. of Agronomy and Plant Breeding,  
Faculty of Agriculture, Yasouj University

(Received: December 22, 2013- Accepted: April 14, 2014)

### Abstract

Salinity is one of the most important obstacles in agriculture which reduces crop production. To investigate the salt stress effect on some biochemical and chemical traits of 11 rice genotypes, an experiment was conducted as split-plot based on randomized complete blocks design with three replications in Agricultural College of Yasouj University, in 2012. The main plots were included 4 levels of salinity (0, 44, 88 and 132 mM NaCl) and subplots were 11 rice genotypes and 10 characteristics including of chlorophyll, soluble sugar, leaf proline, leaf soluble protein, leaf and root sodium, leaf and root potassium, leaf and root sodium to potassium ratio were measured and analyzed. Results showed that genotypes were significantly different for all traits except leaf sodium to potassium ratio at both 5% and 1% probability levels. Positive and significant correlation was observed between leaf proline and soluble sugars in stress conditions. Factor analysis on the basis of principal components method and varimax rotation, extracted 5 factors in non-stress and 4 factors in stress conditions that explained 79.79 and 68.10 percent of total variations, respectively. Using ward's method of cluster analysis, the studied genotypes were grouped in 3 clusters in both non-stress and stress conditions. Results from factor coefficients analysis indicated the importance of stress tolerance component including leaf proline and protein in selection of desirable genotypes for salt stress condition. Considering the results, it could be exploited from heterosis and genetic diversity in breeding programs, using genotypes of the first and third clusters in hybridization because of their maximum difference.

**Keywords:** Correlation, Hydroponic culture, Leaf potassium, Proline, *Oryza sativa*, Varimax Rotation

---

\*Corresponding author: [Amiri@yu.ac.ir](mailto:Amiri@yu.ac.ir); [Amiri720@yahoo.com](mailto:Amiri720@yahoo.com)